



VINTAGE

Vers un outil moléculaire pour piloter le déploiement des variétés de vigne résistantes dans les bassins viticoles

Avec l'arrivée des variétés de vignes résistantes au mildiou sur le marché, un nouveau levier va pouvoir être intégré dans les systèmes viticoles pour réduire significativement le recours aux fongicides : la résistance variétale. Un des enjeux majeurs pour le déploiement de ces variétés est la durabilité des résistances. En effet, des études récentes montrent que le mildiou de la vigne est capable de s'adapter voire de contourner les résistances de la vigne.

Le suivi de l'évolution des populations de mildiou est actuellement réalisé par phénotypage, une méthode lourde à mettre en œuvre ce qui limite fortement son adaptation pour des analyses en série sur de nombreux d'échantillons. Les ressources génomiques aujourd'hui disponibles sur le mildiou de la vigne permettent d'envisager de nouvelles approches pour découvrir les régions du génome impliquées dans l'agressivité des isolats. Nous proposons d'utiliser la génomique d'associations pour les identifier, à l'instar de ce qui a été récemment réalisé chez d'autres agents pathogènes de plantes (septoriose du blé, maladie des raies noires du bananier).

L'objectif finalisé du projet est de développer un nouvel outil moléculaire, validé scientifiquement, qui soit adapté à la réalisation de suivis de l'agressivité en routine sur un grand nombre d'échantillons.